University of Kent

Kent Academic Repository

Yildirim, Elena A., Laptev, Georgi Yu., Tiurina, Darya G., Filippova, Valentina A., Ilina, Larisa A., Novikova, Natalia I., Sokolova, Kseniya A., Patiukova, Nataliia S., Savicheva, Alesya A., Zaikin, Vasiliy A. and others (2026) ***[Bioinformatics analysis of the genome of E. faecalis E-10 strain isolated from cow endometrium] Биоинформатический анализ генома штамма E. faecalis E-10, выделенного из эндометрия коровы.*** **[Conference item]**

Downloaded from

https://kar.kent.ac.uk/115745/ The University of Kent's Academic Repository KAR

The version of record is available from

https://adop.nw.ru/2026/documents/ADOP-2026_Programme+Abstracts_en.pdf

This document version

Publisher pdf

DOI for this version

Licence for this version

UNSPECIFIED

Additional information

Published as an abstract in the conference programme and online – in English and Russian.

Versions of research works

Versions of Record

If this version is the version of record, it is the same as the published version available on the publisher's web site. Cite as the published version.

Author Accepted Manuscripts

If this document is identified as the Author Accepted Manuscript it is the version after peer review but before type setting, copy editing or publisher branding. Cite as Surname, Initial. (Year) 'Title of article'. To be published in ***Title of Journal*** , Volume and issue numbers [peer-reviewed accepted version]. Available at: DOI or URL (Accessed: date).

Enquiries

If you have questions about this document contact ResearchSupport@kent.ac.uk. Please include the URL of the record in KAR. If you believe that your, or a third party's rights have been compromised through this document please see our Take Down policy (available from https://www.kent.ac.uk/guides/kar-the-kent-academic-repository#policies).

ADOP 2026

VI Международная конференция

Цифровизация сельского хозяйства и органическое производство

ADOP 2026

Программа конференции и тезисы

1-5 июня 2026 года
г. Калининград, Россия

СПб ФИЦ РАН

КГТУ
КАЛИНИНГРАДСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ

Springer

Организаторы

- Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Калининградский государственный технический университет» (ФГБОУ ВО КГТУ, Калининград, Россия)
- Федеральное государственное бюджетное учреждение науки «Санкт-Петербургский Федеральный исследовательский центр Российской академии наук» (СПб ФИЦ РАН, Санкт-Петербург, Россия)

Сопредседатели конференции

- Оксана Огий, ФГБОУ ВО КГТУ
- Андрей Ронжин, СПб ФИЦ РАН

Комитеты

Председатель программного комитета

- Владимир Суровцев, СПб ФИЦ РАН

Члены программного комитета

- Михаил Архипов, Россия
- Анна Баркова, Россия
- Владимир Беляев, Россия
- Ольга Бедарева, Россия
- Гомбо Гантулга, Монголия
- Оксана Глибко, Россия
- Виктор Голдыбан, Беларусь
- Мехмет Гузей, Турция
- Владо Делик, Сербия
- Абусупян Дибиров, Россия
- Вадзим Демидчук, Беларусь
- Виталий Джавахия, Россия
- Эдуард Дыба, Беларусь
- Иван Ермолов, Россия
- Евгений Ивашко, Россия
- Лариса Ильина, Россия
- Елена Йылдырым, Россия
- Владимир Клыбик, Беларусь
- Алёна Кодолова, Россия
- Сергей Косогор, Россия
- Валентина Кундиус, Россия
- Георгий Лаптев, Россия
- Николай Лепешкин, Беларусь
- Роман Мещеряков, Россия
- Вадим Микульский, Беларусь
- Муртузали Муртузалиев, Россия
- Александр Недоступ, Россия
- Роман Некрасов, Россия
- Олег Новожилов, Россия
- Константин Остренко, Россия
- Адалат Пашаев, Азербайджан
- Франческо Пьери, Италия
- Мирко Ракович, Сербия
- Елена Семенова, Россия
- Татьяна Снытникова, Россия
- Михаил Татур, Беларусь
- Дарья Тюрина, Россия
- Елена Ульрих, Россия
- Александра Фигурек, Кипр
- Дмитрий Хорт, Россия
- Ольга Черепанова, Россия
- Людмила Чижикова, Россия
- Антон Юрин, Беларусь

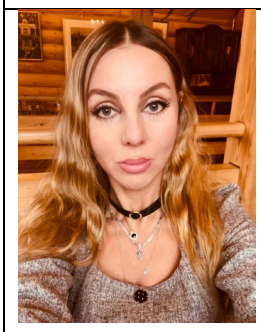
Сопредседатели организационного комитета

- Наталья Кострикова, ФГБОУ ВО КГТУ
- Алёна Викторова, СПб ФИЦ РАН

Члены организационного комитета

- Елена Безбородова, ФГБОУ ВО КГТУ
- Василиса Ганичева, СПб ФИЦ РАН
- Наталья Дормидонтова, СПб ФИЦ РАН
- Алина Михайлус, СПб ФИЦ РАН
- Ирина Поднозова, СПб ФИЦ РАН
- Руслан Поляков, ФГБОУ ВО КГТУ
- Александр Смерчанский, СПб ФИЦ РАН
- Юлиана Черепанова, СПб ФИЦ РАН

	Ирина Шевченко. Разработка виртуальных музеев Алтайского государственного аграрного университета для сохранения научных коллекций.
14:00-17:00	**Устная сессия 6: Биологизация животноводства** https://us06web.zoom.us/j/87926743169?pwd=Y1RWWGtua1JtWEgyZEZob3ZUNlp4UT09 **Модераторы:** Владимир Суровцев, Роман Некрасов
	Валентина Филиппова, Георгий Лаптев, Лариса Ильина, Елена Йылдырым, Ксения Соколова, Дарья Тюрина, Екатерина Пономарева, Евгений Бражник, Василий Заикин, Кристина Канц. Влияние глифосата на биомаркеры микробиома кишечника, связанные с репродуктивным долголетием кур-несушек.
	Роман Некрасов, Алексей Бутенко, Иван Пишулин, Артем Студенков, Константин Остренко, Надежда Боголюбова, Юлия Боголюбова. Эффективность конверсии зерновых отходов в белковую муку для животных с использованием BSFL (черная львинка).
	Елена Йылдырым, Валентина Филиппова, Лариса Ильина, Ксения Соколова, Георгий Лаптев, Дарья Тюрина, Наталья Новикова, Наталья Патюкова, Алеся Савичева, Василий Заикин, Владислав Большаков, Ирина Ключникова, Анна Фисенко, Елена Корочкина, Даррен Гриффин, Михаил Романов. Биоинформатический анализ генома штамма E. Faecalis E-10, выделенного из эндометрия коровы.
	Татьяна Лашкова. Использование биологически активного препарата на основе озерного сапропеля в кормлении телят в условиях Новгородской области.
	Антон Уткин, Глеб Сутула, Ян Пухальский, Святослав Лоскутов, Алена Кондратьева, Алексей Еремин. Черная львинка (Hermetia Illucens) как источник новых биологически активных веществ белковой природы.
	Святослав Лоскутов, Ян Пухальский, Людмила Молодкина, Мария Андрианова. Оценка дисперсного состояния методом динамического светорассеяния для щелочной суспензии зоогумуса черной львинки после ее минерализации.
	Микаел Микаелян, Гурген Карапетян, Валерий Григорян, Астхик Пепоян, Лиана Григорян, Жанна Мелконян, Спартак Ерибекян. Эко-эпидемиология паразитарных болезней птицы в Армении: национальный синтез и значение для устойчивого контроля.
	Су Цзянь, Ма Цзюань, Ли Хао, Кон Линчжо. Экспериментальное исследование физических свойств при совместном компостировании коровьего навоза и веток грецкого ореха и расчет нагрузки на почвообрабатывающую фрезу.
	Алёна Зеленченкова. Влияние комплекса адаптогенов на иммунный статус и микробиоценоз кишечника цыплят-бройлеров в моделируемых условиях среды.
	Надежда Боголюбова. Алиментарный комплекс адаптогенов для поддержания продуктивного здоровья птицы и получения высококачественной продукции птицеводства.
	Владимир Суровцев. Цифровизация как фактор биологизации производства и устойчивого развития молочного животноводства Ленинградской области.

	различных составов кормовых смесей на химический состав личинок BSFL и оценку их питательного потенциала для получения белковой муки из высушенной биомассы. Эксперимент проводился в лабораторных условиях при выращивании BSFL на зерновой смеси (GM) и зерновых отходах (GW). При включении зерновых отходов в кормовую смесь наблюдалось значительное улучшение переваримости органического вещества, жиров и углеводов ($p<0,05$), а также отложения и усвоения азота у личинок. Заключительный анализ показал, что личинки, выращенные на GW, являются более эффективным вариантом с точки зрения биохимической ценности и питательного потенциала. Общее содержание белка было выше в белковой муке, полученной из биомассы личинок GW (55,14 г/100 г), по сравнению с группой, потреблявшей зерновую смесь GM (51,18 г/100 г). Личинки, выращенные на зерновых отходах (GW), имели лучшее качество белка, характеризующееся повышенным уровнем незаменимых аминокислот, необходимых для полноценного питания животных. Зерновые отходы могут служить базовым кормом в технологии выращивания личинок и производства высокобелковых концентратов для компенсации дефицита традиционных кормов в рационах сельскохозяйственных животных. Полученные результаты открывают перспективы использования сельскохозяйственных отходов для устойчивого развития технологий выращивания личинок и создания экологически чистых и экономически эффективных методов производства высококачественных кормов.
	**Елена Йылдырым, Валентина Филиппова, Лариса Ильина и Ксения Соколова,** Лаборатория молекулярной генетики и микробиомики, ООО «БИОТРОФ+», ФГБОУ ВО «Санкт-Петербургский государственный аграрный университет». **Георгий Лаптев, Дарья Тюрина, Наталья Новикова, Наталья Патюкова, Алеся Савичева, Василий Заикин и Владислав Большаков,** Лаборатория молекулярной генетики и микробиомики, ООО «БИОТРОФ+». **Ирина Ключникова и Анна Фисенко,** ФГБОУ ВО «Санкт-Петербургский государственный аграрный университет». **Елена Корочкина,** ФГБОУ ВО «Санкт-Петербургский государственный университет ветеринарной медицины». **Даррен Гриффин,** Школа естественных наук, Кентский университет, Исследовательское подразделение по геномике и биоресурсам животных (AGB Research Unit), Факультет науки, Университет Касесарт. **Михаил Романов,** ФГБОУ ВО «Санкт-Петербургский государственный аграрный университет», Школа естественных наук, Кентский университет, Исследовательское подразделение по геномике и биоресурсам животных (AGB Research Unit), Факультет науки, Университет Касесарт, Федеральный исследовательский центр животноводства имени Л.К. Эрнста. **Название доклада:** Биоинформатический анализ генома штамма E. Faecalis E-10, выделенного из эндометрия коровы.

	Аннотация: Изучение микробиома репродуктивной системы коров имеет решающее значение для поддержания репродуктивной способности животных. В 2025 году из эндометрия здоровой коровы айрширской породы, содержащейся на экоферме Валаамского монастыря, был выделен штамм E. faecalis E-10. Целью исследования был полногеномный анализ штамма с использованием секвенатора MiSeq (Illumina, Inc., США) и биоинформатических инструментов, включая базы данных RAST (https://rast.nmpdr.org), KEGG (https://www.kegg.jp) и Prokka (https://github.com/tseemann/prokka). Полногеномный анализ штамма E. faecalis E-10 показал, что геном состоит из 108 контигов и имеет общую длину 2 882 409 п.н. Анализ антимикробной активности штамма показал, что наибольшие зоны задержки роста (до 29±1,5 мм) были отмечены для тест-культур Clostridium perfringens, Streptococcus agalactiae, Aspergillus spp. и Penicillium spp. В геноме E. faecalis E-10 были обнаружены гены синтеза органических кислот, такие как ldh1 и ldh2, pta1/2 и ackA, pflA/B, а также fumC, frdA и mae. Также были идентифицированы гены устойчивости к окислительному и осмотическому стрессу. К ним относятся гены, кодирующие биосинтез глутатиона, тиол-дисульфидную редокс-систему CoA-дисульфида, систему поглощения холина и бетаина, а также биосинтез бетаина. Эти результаты указывают на потенциальную роль E. faecalis E-10 в поддержании благоприятного микробного баланса в эндометрии.
	**Татьяна Лашкова,** Новгородский научно-исследовательский институт сельского хозяйства — филиал СПб ФИЦ РАН. **Название доклада:** Использование биологически активного препарата на основе озерного сапропеля в кормлении телят в условиях Новгородской области. **Аннотация:** Целью исследования была оценка эффективности использования биологически активного препарата на основе сапропеля в кормлении сельскохозяйственных животных и влияния на продуктивность молодняка. Исследование проводилось на телятах голштинской породы в четырехмесячном возрасте после отъема в крестьянском хозяйстве «Ермолинское» Новгородской области. По принципу аналогов было сформировано три группы (n=10): одна контрольная и две опытные. Телята опытных групп получали в дополнение к основному рациону 5 и 10 мл добавки соответственно. Результаты показали, что добавление 5 мл препарата увеличило переваримость основных питательных веществ рациона на 1,56–3,73 процентных пункта и улучшило белковый индекс. Абсолютный и среднесуточный привесы телят в первой опытной группе превышали контрольные показатели на 8,8% ($P < 0,001$). Введение 5 мл УДГСС снизило потребление переваримого протеина на 1 кг прироста живой массы на 8,2%, энергетических кормовых единиц — на 8,1% и обменной энергии — на 9% по сравнению с контрольной группой. Увеличение дозы добавки привело к повышению расхода переваримого протеина и обменной энергии на единицу прироста на 14,8% и 14,9% соответственно.